

**Ankieta badająca poziom przygotowania osoby przed rozpoczęciem uczestnictwa w kursie  
Ocena podsumowująca posiadaną wiedzę na początku wybranego przez Pana/Panią kursie**

Jak ocenia Pan/Pani swój obecny poziom wiedzy z każdego przedmiotu przed rozpoczęciem kursu?

Proszę zaznaczyć tylko jedną odpowiedź gdzie **0** oznacza **brak wiedzy**, **1**-poziom **bardzo niski**, **2**- **niski**, **3**-**średni**, **4**- **wysoki**, **5**- **bardzo wysoki** poziom wiedzy.

**Zajęcia wprowadzające do analizy danych wysokoprzepustowych:**

1. **BWwM** : Badania wysokoprzepustowe w medycynie – wprowadzenie:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

2. **IBW**: Infrastruktura w badaniach wysokoprzepustowych:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

3. **PNI**: Podstawowe narzędzia informatyczne:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

4. **PBDNADW**: Podstawowe bazy danych i narzędzia do analizy danych wysokoprzepustowych:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

5. **PADG**: Podstawowa analiza danych genomowych

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

6. **PAWPR**: Podstawy analizy z wykorzystaniem pakietu R

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

7. **NWwBBwAO**: Narzędzia wykorzystywane w badaniach biomedycznych w analizach omicznych

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

**Praktyczne wykorzystanie analiz wysokoprzepustowych – zajęcia praktyczne poprzedzone wstępem teoretycznym:**

1. **Ety-RODO**: Etyczne aspekty biomedycznych badań wysokoprzepustowych:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

2. **Gen**: Genomika:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

3. **Transk**: Transkryptomika:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

4. **Epigen**: Epigenomika:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

5. **Microb**: Metagenomika/ Mikrobiom:

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5

6. **Prot/Metabol**: Proteomika/ Metabolomika

0  , 1  , 2  , 3  , 4  , 5